

مقاومت آنتی‌زنوزی ژنوتیپ‌ها و ارقام آلو نسبت به کرم میوه آلو *Grapholita funebrana* (Treitschke) در شرایط محیطی کرج

Antixenosis Resistance of Plum Genotypes and Cultivars to the Plum Fruit Moth *Grapholita funebrana* (Treitschke) under the Environmental Conditions of Karaj in Iran

مسعود لطیفیان^{۱*}، محی الدین پیرخضری^۲ و راضیه قائمی^۳

- ۱- استاد، پژوهشکده میوه‌های معتدله و سردسیری، موسسه تحقیقات علوم باغبانی، سازمان تحقیقات، آموزش و ترویج کشاورزی، کرج، ایران.
- ۲- استادیار، پژوهشکده میوه‌های معتدله و سردسیری، موسسه تحقیقات علوم باغبانی، سازمان تحقیقات، آموزش و ترویج کشاورزی، کرج، ایران.
- ۳- پژوهشگر، پژوهشکده میوه‌های معتدله و سردسیری، موسسه تحقیقات علوم باغبانی، سازمان تحقیقات، آموزش و ترویج کشاورزی، کرج، ایران.

تاریخ دریافت: ۱۴۰۱/۰۸/۰۵ تاریخ پذیرش: ۱۴۰۱/۱۰/۰۷

چکیده

لطیفیان، م.، پیرخضری، م. و قائمی، ر. ۱۴۰۱. مقاومت آنتی‌زنوزی ژنوتیپ‌ها و ارقام آلو نسبت به کرم میوه آلو (*Grapholita funebrana* (Treitschke) در شرایط محیطی کرج. مجله نهال و بذر ۳۸: ۴۳۲-۴۰۹

آلو (*Prunus domestica* L.) یکی از درختان میوه هسته‌دار با ارزش اقتصادی زیاد است. کرم آلو (*Grapholita funebrana* (Treitschke) از آفات مهم آلو است و همه ساله خسارت قابل توجهی به محصول باغ‌های آلو وارد می‌کند. هدف این پژوهش بررسی مقاومت آنتی‌زنوزی ژنوتیپ‌ها/ارقام آلو و رابطه بین صفات فیزیکی و شیمیایی میوه آنها با مقاومت به این آفت بود. این پژوهش بر روی ۲۷ رقم و ژنوتیپ امید بخش آلو در باغ کلکسیون ذخایر توارثی پژوهشکده میوه‌های معتدله و سردسیری واقع در کمالشهر کرج در سال‌های ۱۳۹۹ تا ۱۴۰۱ به مدت سه سال انجام شد. شاخص‌های مقاومت آنتی‌زنوزی با نمونه برداری در طول فصل از جمعیت لارو برآورد شد. رابطه صفات مختلف میوه با مقاومت آنتی‌زنوزی به آفت با استفاده از ضرایب همبستگی پیرسون بررسی شد. گروه بندی ژنوتیپ‌ها/ارقام آلو نیز با روش تجزیه خوشه‌ای بعمل آمد. واکنش آنتی‌زنوزی با طول، عرض، قطر، قطر مهندسی، شاخص گرد بودن و مساحت سطح میوه دارای رابطه معنی‌دار بود. حداقل شاخص استقرار نسبی لارو در آلو بخارا، ژنوتیپ ۱۹ و ارومیه ۲۰ معادل ۰/۰۲ و حداکثر آن در ارقام آلو: آنجلو، فریار، جی-۹۸، خ-مشهد و سوسورمی معادل ۰/۰۶ بود. حداقل شاخص عدم رجحان لارو در جی-۹۸ معادل ۹۶/۹۱ و حداکثر آن در آلو بخارا معادل ۹۸/۸۱ بود. حداقل شاخص رجحان لارو در رقم سوسورمی معادل ۰/۰۳ و حداکثر آن در رقم زوجلو معادل ۱/۰۳ بود. حداقل شاخص تجمع لارو در آلو بخارا معادل ۲۴/۶ و حداکثر آن در جی-۹۸ معادل ۶۶/۴۲ مشاهده شد. در نهایت ژنوتیپ‌های ارقام مقاوم شامل بلک استار، کوئین روزا، جی-۹۹، جی-۹۸، قمی، سانارزا، سوسورمی، آنجلو، بلک امبر و جی-آر-رضایه شناسایی شدند، و ژنوتیپ کرمانشاه حساس‌ترین بود. نتایج این پژوهش بخشی از اطلاعات تکمیلی برای انتخاب ارقام آلو مناسب برای توسعه باغ‌های این محصول را فراهم کرد.

واژه‌های کلیدی: آلو، استقرار نسبی لارو، تجمع لارو، رجحان لارو، عدم رجحان لارو.

مقدمه

آلو (*Prunus domestica* L.) یکی از درختان میوه هسته‌دار با ارزش اقتصادی بالا است. کرم آلو (*Grapholita funebrana* (Treitschke) یکی از خطرناک‌ترین آفات میوه آلو می‌باشد. این گونه در اکثر مناطق ایران انتشار دارد. خسارت آن شامل تغذیه لارو از گوشت یا پریکارپ میوه می‌باشد که از ارزش اقتصادی محصول می‌کاهد (Rothschild and Vickers, 1991; Timm et al., 2008). برنامه‌های به نژادی درختان میوه بر تولید ژرم پلاسم مقاوم به آفات مهم در کنار صفات مطلوب باغبانی تأکید دارند (Johnson, 2000; Boyd et al., 2013).

بررسی واکنش آنتی‌زنوزی ژنوتیپ‌ها/ارقام مختلف و شناخت عوامل ایجاد کننده مقاومت گام نخست در دستیابی به ارقام مقاوم است (Tek and Budak, 2022). مطالعات انجام شده در سال‌های اخیر نشان داده است که صفات مختلف کمی و کیفیت میوه در واکنش ارقام درختان میوه نسبت به آفات میوه‌خوار مؤثر می‌باشند (Gogorcena et al., 2020). بررسی تنوع ژنوتیپی و فنوتیپی گیاهان مانند ویژگی‌های بیوشیمیایی، معماری سایه انداز درخت، ویژگی‌های فیزیکی مؤثر بر استقرار جمعیت آفات برای مدیریت تلفیقی ضروری است (Wetzel et al., 2016; Kumari et al., 2022; Tek and Budak, 2022; He and Liu, 2022).

وجود سایر گیاهان میزبان و رجحان غذایی آفت بر درجه مقاومت اثر گذار می‌باشد

(Sharma and Ortiz, 2002). نقش ترکیبات فرار (Volatiles) گیاهان در جذب حشرات برای تغذیه، جفت‌گیری و تخم‌گذاری به اثبات رسیده است (Xu and Turlings, 2018). در رابطه با شب‌پره شرقی میوه (*Grapholita molesta* (Busck) گزارش شده است که ماده‌های بارور با استفاده از حس بینایی و بویایی و پس از تشخیص رنگ میوه و ترکیبات فرار منتشر شده به درختان میزبان جذب شده و تخم‌گذاری می‌کنند (Ammagarahalli and Gemenio, 2015; Barros-Parada et al., 2018).

مطالعات مختلفی در رابطه با سازکارهای رجحان میزبان لاروهای بالپولکداران میوه خوار انجام شده است. به عنوان مثال لارو نئونات (*Cydia pomonella* L.) پس از خروج از تخم برای انتخاب میزبان مناسب جستجو انجام می‌دهد (Gish et al., 2017). لاروهای بالپولکداران می‌توانند از حس یادگیری در انتخاب میزبان مناسب استفاده کنند. فرآیند انتخاب میوه میزبان ممکن است با القای رجحان یا شرطی‌سازی همراه باشد (Cahenzli et al, 2015). رجحان، شکلی خاصی از یادگیری در حشرات است که واکنش آنتی‌زنوزی را ایجاد می‌کند (Pszczolkowski and Brown, 2005).

گونه‌های مختلف بالپولکداران از روش‌های متفاوتی برای ارزیابی ویژگی‌های میزبان خود استفاده می‌کنند (Schweiger et al., 2012). تغییر میزبان به میزبانی با درجه رجحانی پایین‌تر در غیاب سایر میزبان‌های ارجح برای بقای جمعیت‌های بالپولکداران در شرایط تنش تغذیه‌ای ضروری

است (Griese et al., 2020). در بالپولکداران میزبان‌یابی، استقرار روی میزبان و یا عدم رجحان برخی ارقام گیاهی همیشه از الگوی خاصی پیروی نمی‌کند (Willson and Whelan, 1990; Schlick-Souza et al., 2011).

در رابطه با مقاومت ارقام آلو نسبت به کرم آلو نیز مطالعات مختلفی انجام شده است. مشخص شده است کرم آلو سه نسل بر روی ارقام آلوهای دیررس ایتالیایی پوزگا‌کا (Pozegaca)، دو نسل روی رقم بیلسکا رانا (Bilska Rana) دارد. جمعیت لاروهای نسل اول روی ارقام آلو ایتالیایی کمتر از ارقام پوزگا‌کا و بیلسکا رانا بود. میزان آسیب آفت بر روی میوه بیلسکا رانا ۳۷/۹۶٪ و روی ارقام دیررس ایتالیایی و پوزگا‌کا به ترتیب ۴۳/۷۸٪ و ۵۱/۴۵٪ بود (Batinica and Muratovic, 1972). در مطالعه دیگری مشخص شد که رقم استنلی (Stanly) دارای مقاومت آنتی‌زنوزی نسبت به کرم آلو (*G. funebrana*) است، به طوری که میزان شکار تله‌های فرمونی نسب شده روی این رقم ۷۰ درصد کمتر از سایر ارقام بود (Mitrea and Bancă, 2011).

در پژوهشی امکان تولید میوه ارگانیک از چهار رقم آلو هرمن (Herman)، کامانسکا رانا (Cacanska Rana)، ولجو‌کا (Valjevka) و زولتا آفاسکا (Žolta Afaska) مورد ارزیابی قرار گرفت. نتایج نشان داد که کمترین میوه‌های آسیب دیده توسط پروانه میوه آلو (*G. funebrana* (Treitschke) و پوسیدگی قهوه‌ای درختان هسته‌دار (*Monilinia fructigena*)

(*Monilinia laxa*) در رقم هرمن بود. این رقم مناسب‌ترین رقم برای تولید میوه آلو ارگانیک شناسایی شد (Głowacka and Rozpara, 2014). در مطالعه دیگری مشخص شد که رقم جدید آلو بلغاری اوسترومیلا (Ostromila) که رقمی مقاوم به ویروس آبله آلو است، خسارات ناشی از شته‌های برگ (Aphididae)، پروانه میوه آلو (*Cydia funebrana* (Treitschke)، شب پره میوه شرقی (*Cydia molesta* (Busck) و مگس اره آلو سیاه (*Hoplocampa minuta* (Christ) را نیز تحمل می‌کند (Zhivondov and Milusheva, 2015).

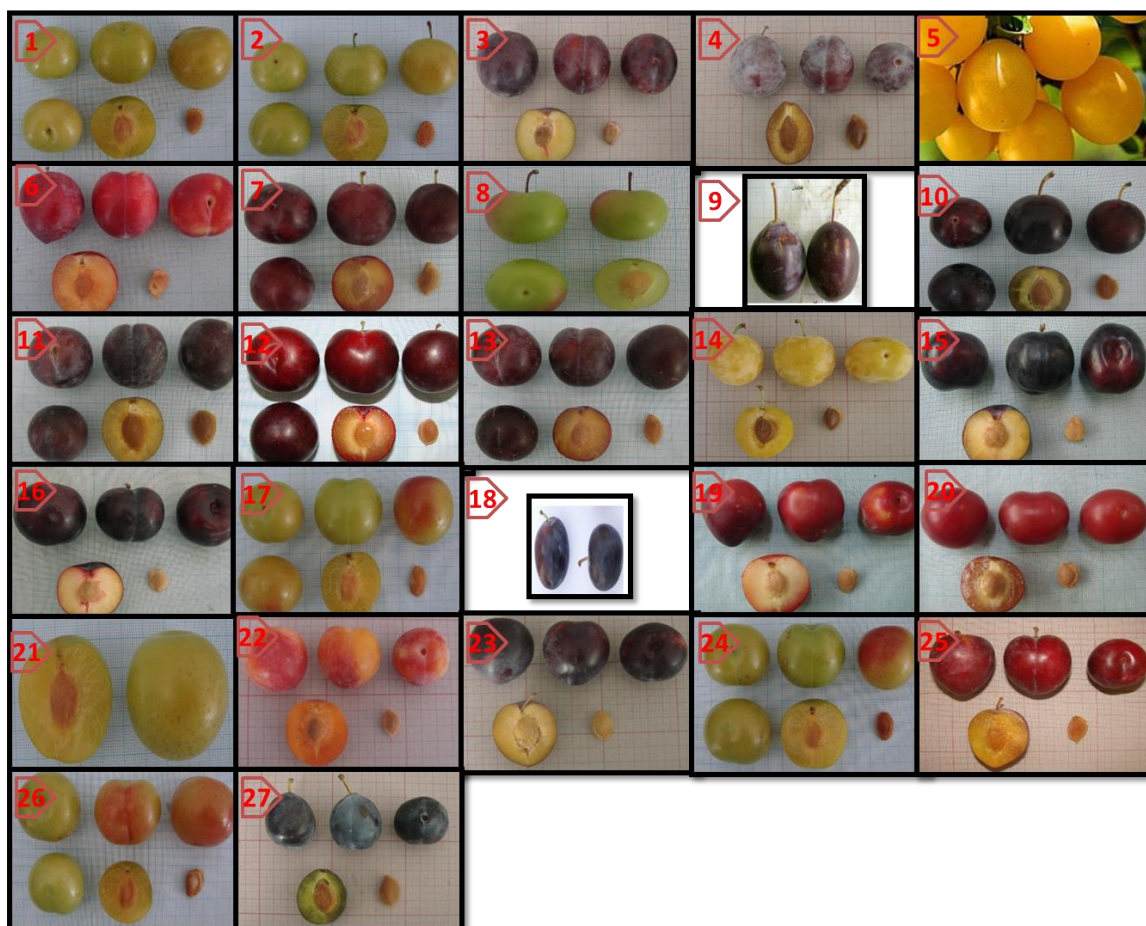
این پژوهش به منظور ارزیابی مقاومت آنتی‌زنوزی ژنوتیپ‌ها/ارقام آلو نسبت به آفت کرم میوه آلو (*G. funebrana* (Treitschke) و رابطه آن با خصوصیات کمی و کیفیت میوه به منظور استفاده در برنامه‌های به‌نژادی و تولید ارقام مقاوم/متحمل آلو به این آفت انجام شد.

مواد و روش‌ها

این پژوهش در باغ کلکسیون ذخایر توارثی پژوهشکده میوه‌های معتدله و سردسیری واقع در کمالشهر کرج در سال‌های ۱۳۹۹ تا ۱۴۰۱ به مدت سه سال انجام شد. این ایستگاه با ارتفاع ۱۳۵۰ متر از سطح دریا، در فاصله ۴۸ کیلومتری غرب تهران قرار دارد. طول جغرافیایی این منطقه برابر ۵۱ درجه و ۲ دقیقه شرقی و عرض جغرافیایی آن ۳۵ درجه و ۴۸ دقیقه شمالی است. اقلیم این ایستگاه در فصول سرد سال متأثر از سامانه‌های شمالی و شمال غربی و غربی به ویژه جنوب غربی

در این پژوهش ۲۷ رقم و ژنوتیپ امید بخش
آلو ارزیابی شدند که شکل میوه آنها در شکل ۱
و برخی خصوصیات پومولوژیکی آنها در
جدول ۱ ارائه شده است.

بوده و ریزش های آن متأثر از فعالیت این
سامانه ها می باشد. بارش های این منطقه از آبان
و آذر آغاز و تا اواسط اردیبهشت ادامه می یابد
(Mirdashtvan *et al.*, 2020).



شکل ۱- تصویر میوه ژنوتیپ ها/ ارقام آلو: ۱- جی-ملایر، ۲- جی ۱۰۰، ۳- آنجلو، ۴- زوجلو، ۵- ارومیه ۲۰، ۶- سانتارزا، ۷- لارودا، ۸- جی آر- رضائیه، ۹- غلامان، ۱۰- گالو، ۱۱- بخارا، ۱۲- کوئین روزا، ۱۳- فریار، ۱۴- زرد کردستان، ۱۵- بلک استار، ۱۶- بلک امبر، ۱۷- جی- ۹۹، ۱۸- ژنوتیپ ۱۹، ۱۹- مورتینی، ۲۰- شماره ۱۷، ۲۱- قمی، ۲۲- خ- مشهد، ۲۳- سوسورمی، ۲۴- جی- ۹۸، ۲۵- سنقر آبادی، ۲۶- جی- بلک و ۲۷- کرمانشاه

Fig. 1. Photos of fruit of plum genotypes/cultivars: 1- G-Melayer, 2- G-100, 3-Angelo, 4- Zojelo, 5- Uromieh 20, 6- Santa Rosa, 7- Laroda, 8- GR- Rezaieh, 9- Gholaman, 10- Ghalo, 11- Bukhara, 12- Queen Rosa, 13- Friar, 14- Zard Kurdistan, 15- Black Star, 16- Black Amber, 17- G-99, 18- Genotype 19, 19- Mortini, 20- No. 17, 21- Qomi, 22- Kh-Mashhad, 23- Sosourmi, 24- G-98, 25- Sonqorabadi, 26- G- Black, 27- Kermanshah

جدول ۱- نام و برخی خصوصیات پومولوژیکی ژنوتیپ‌ها/ ارقام آلو مورد ارزیابی برای مقاومت آنتی زئونوزی نسبت به کرم آلو

Table 1. Name and some pomological characteristics of studied plum genotypes/cultivars evaluated for antixenosis resistance to the plum fruit moth

Genotype/cultivar	رقم/ژنوتیپ	Origin	Ripening status	منشاء	وضعیت رسیدگی	Fruit colour	رنگ میوه	Productivity status	وضعیت باردهی
Anjelo	آنجلو	Foreign	Late	خارجی	دیررس	Red	قرمز	Productive	پر بار
Black Amber	بلک امبر	Foreign	Medium	خارجی	میان رس	Black	سیاه	Productive	پر بار
Black star	بلک استار	Foreign	Early	خارجی	زودرس	Dark Red	قرمز تیره	Medium productive	میان بار
Bokhara	بخارا	Native	Late	بومی	دیررس	Dark Red	قرمز تیره	Relatively productive	نسبتاً پر بار
Friar	فریار	Foreign	Medium	خارجی	میان رس	Dark Red	قرمز تیره	Relatively productive	نسبتاً پر بار
G- balck	جی- بلک	Native	Early	بومی	زودرس	Reddish Green	سبز مایل به قرمز	Productive	پر بار
G-100	جی- ۱۰۰	Native	Early	بومی	زودرس	Reddish Green	سبز مایل به قرمز	Productive	پر بار
G-98	جی- ۹۸	Native	Early	بومی	زودرس	Reddish Green	سبز مایل به قرمز	Productive	پر بار
G-99	جی- ۹۹	Native	Early	بومی	زودرس	Reddish Green	سبز مایل به قرمز	Productive	پر بار
Geontype 19	ژنوتیپ ۱۹	Native	Late	بومی	دیررس	Black	سیاه	Medium productive	میان بار
Ghalo	گالو	Native	Late	بومی	دیررس	Black	سیاه	Medium productive	میان بار
Gholaman	غلامان	Native	Late	بومی	دیررس	Dark Red	قرمز تیره	Productive	پر بار
Ghomi	قمی	Native	Early	بومی	زودرس	Yellowish Green	سبز مایل به زرد	Very productive	خیلی پر بار
G-Malayer	جی-ملایر	Native	Early	بومی	زودرس	Reddish Green	سبز مایل به قرمز	Productive	پر بار
GR-Rezaieh	جی آر- رضائیه	Native	Early	بومی	زودرس	Reddish Green	سبز مایل به قرمز	Productive	پر بار
Kermanshah	کرمانشاه	Native	Early	بومی	زودرس	Black	سیاه	Productive	پر بار
Kh-Mashhad	خ- مشهد	Foreign	Medium	خارجی	میان رس	Reddish Yellow	زرد مایل به قرمز	Productive	پر بار
Laroda	لارودا	Foreign	Medium	خارجی	میان رس	Red	قرمز	Productive	پر بار
Mortini	مورتینی	Foreign	Early	خارجی	زودرس	Light Red	قرمز روشن	Very productive	خیلی پر بار
Queen Rosa	کوئین روزا	Foreign	Medium	خارجی	میان رس	Dark Red	قرمز تیره	Productive	پر بار
Santa Rosa	سانتارزا	Foreign	Medium	خارجی	میان رس	Light Red	قرمز روشن	Very productive	خیلی پر بار
Songhorabadi	سنقر آبادی	Native	Medium	بومی	میان رس	Light Red	قرمز روشن	Very productive	خیلی پر بار
Sosourmi	سوسورمی	Foreign	Medium	خارجی	میان رس	Black	سیاه	Productive	پر بار
Uromieh 20	ارومیه ۲۰	Native	Early	بومی	زودرس	Yellow	زرد	Productive	پر بار
Zard Kurdistan	زرد کردستان	Native	Late	بومی	دیررس	Yellow	زرد	Medium productive	میان بار
Zojelo	زوجلو	Foreign	Late	خارجی	دیررس	Powdery Red	قرمز پودری	Very productive	خیلی پر بار

جمع‌آوری اطلاعات در دوره فعالیت آفت از اواسط فروردین آغاز و تا اواسط مهر به فاصله هر هفت تا ده روز یکبار انجام شد. بدین منظور در هر درخت چهار جهت جنوب، شمال، شرق و غرب در نظر گرفته شد و از هر جهت ۲۰ عدد میوه انتخاب گردید. سپس نمونه‌ها به آزمایشگاه منتقل و تعداد لاروهای فعال درون میوه‌ها به صورت جداگانه ثبت شدند. برای تعیین تراکم شب‌پره میوه در فواصل نمونه‌برداری در شرایط صحرایی که بیانگر ارتباط با تراکم جمعیت آنها با آسیب وارده به میوه می‌باشد، تعداد کرم میوه‌خوار با تعداد روزی که میوه آلو در معرض کرم میوه‌خوار مزبور قرار دارد، در نظر گرفته شد. برای برآورد آن از پارامتری تحت عنوان لارو-روز ($Larvae-day = Ld$) استفاده و بصورت زیر محاسبه شد (Machlitt, 1998).

$$Ld = \frac{A(i-1) - A_i}{2} \times t$$
 در این رابطه $A(i-1)$ و A_i به ترتیب تعداد لارو در نمونه برداری قبلی و فعلی و t فاصله زمانی بین دو نمونه برداری می‌باشند.

شاخص استقرار نسبی (Larvae establishment rate) لارو کرم آلو با استفاده

از رابطه زیر محاسبه شد (Tu et al., 2018).

$$AQR = \frac{\sum C_i}{\sum C_i + \dots + \sum C_n} \times n$$

در این رابطه C_i و C_n به ترتیب مجموعه تعداد لاروهای فعال کرم آلو در هر مرحله نمونه برداری در میوه ژنوتیپ‌ها/ارقام i ام تا n ام در

طول فصل نمونه‌برداری و n تعداد دفعات نمونه‌برداری می‌باشد.

شاخص عدم رجحان (Non-preference index = NPI) با استفاده از رابطه زیر محاسبه شد (Antônio et al., 2011).

$$NPI = \left[\frac{(100 - R)}{(100 + R)} \right] \times 100$$

در این رابطه R میانگین نسبت تعداد جمعیت مؤثر لارو در هر رقم/ژنوتیپ به میانگین کل ارقام/ژنوتیپ‌های مورد مطالعه است.

شاخص رجحان لارو (C-Larvae) با استفاده از رابطه زیر محاسبه شد (Krisnawati et al., 2017).

$$C - Larvae = \frac{2A}{M + A}$$

در این رابطه، A تعداد لارو-روز مؤثر در هر ژنوتیپ و M میانگین لارو-روز مؤثر در کل ژنوتیپ‌های آلود مورد مطالعه در هر تاریخ نمونه برداری می‌باشد. اگر $C < 1$ مقاوم‌تر (ژنوتیپ کمتر رجحان داده می‌شود)، $C = 1$ مقاومت متوسط (رجحان میزبانی نسبی) و اگر $C > 1$ باشد، ژنوتیپ حساس (رجحان میزبانی بیشتر) است.

شاخص تجمع لارو (Mean crowding intensity = M^*) با استفاده از رابطه زیر محاسبه شد (Reiczigel et al., 2005).

$$M^* = \bar{x} + \frac{s^2}{x+1}$$

در این روابط \bar{x} و S^2 به ترتیب میانگین و واریانس تراکم لارو در هر رقم/ژنوتیپ مورد مطالعه است.

پس از رسیدن میوه محصول از هر

درخت تعداد ۱۰ عدد میوه برای بررسی صفات کمی و کیفیت میوه به آزمایشگاه منتقل و خصوصیات میوه شامل: وزن تر و خشک و درصد ماده خشک (با استفاده از ترازوی دقیق و آون)، طول، عرض و ضخامت میوه با کولیس دیجیتالی برحسب میلی‌متر و نسبت طول به قطر برای هر یک از نمونه‌ها محاسبه شد.

شاخص اندازه میوه با استفاده از طول یا عرض اندازه‌گیری و با استفاده از رابطه $(D_a = \frac{L+W+T}{3})$ محاسبه شد. قطر متوسط مهندسی میوه با استفاده از رابطه $D_g = \sqrt[3]{L \times W \times T}$ ، شاخص کروی بودن با استفاده از رابطه $\phi = \frac{D}{L} \times 100$ و مساحت سطح میوه با استفاده از رابطه $S = \pi(D_g)^2$ برآورد گردید.

درصد مواد جامد محلول TSS با استفاده از رفراکتومتر، اسیدیت به روش تیتراسیون TA، pH آب میوه با دستگاه pH متر، سفتی بافت گوشت با دستگاه پنترومتر، میزان فنل کل با دستگاه طیف نورسنج در طول موج ۷۶۰ نانومتر و زمان رسیدن یادداشت برداری شد. ابعاد محوری، یعنی طول L (طولانی ترین قطر)، ضخامت T (قطر کوتاه‌تر)، و عرض W با استفاده از کولیس ورنیه اندازه‌گیری شد (Sabzi et al., 2022).

داده‌های به دست آمده از شاخص‌های مقاومت آنتی‌زنوزی پس از اطمینان از نرمال بودن، با استفاده از آزمون کولموگوروف-اسمیرنوف

(Kolmogorov-Smirnov)، مورد تجزیه واریانس قرار گرفت. مقایسه میانگین شاخص‌ها با استفاده از آزمون چند دامنه‌ای دانکن در سطح احتمال پنج درصد انجام شد.

تجزیه به عامل‌ها به منظور تعیین عامل‌های مشاهده‌ناپذیر ترکیبی مؤثر بر سازکار مقاومت بر پایه مجموعه شاخص‌های مشاهده‌پذیر و محاسبه شده برای شاخص مقاومت آنتی‌زنوزی بود. عامل، متغیر جدیدی است که از طریق ترکیب خطی نمره‌های اصلی شاخص‌های ارزیابی بر پایه رابطه زیر برآورد شد:

$$F_j = \sum W_{ji} X_i = W_{j1} X_1 + W_{j2} X_2 + \dots + W_{jp} X_p$$

که در آن W ها بیانگر ضرایب نمره عاملی و P معرف تعداد شاخص‌های محاسبه شده برای هر شاخص مقاومت آنتی‌زنوزی مورد مطالعه است. با ترکیب‌های خطی بدست آمده نتیجه توصیف ویژگی‌های هر شاخص مقاومت آنتی‌زنوزی و ارتباط آن با شاخص‌های محاسبه شده امکان‌پذیر شد. استخراج عامل‌ها از ماتریس ضریب همبستگی، چرخش عامل‌ها به منظور به حداکثر رساندن رابطه بین شاخص‌ها و عامل‌ها و محاسبه بار عاملی (نمره عامل‌ها) برای تعیین عامل‌های مورد نظر انجام شد (Hamzehzarghani et al., 2005).

گروه بندی ژنوتیپ‌ها/ارقام بر اساس درجه حساسیت به شب‌پره میوه آلو با استفاده از روش تجزیه خوشه‌ای و نمونه‌هایی که از نظر درجه آلودگی مشابه بودند و انتخاب یک فاصله اقلیدسی مشخص انجام شد. داده‌های برداشت

شده در این پژوهش به روش Hierarchical clustering و با استفاده از نرم افزار IBM SPSS Statistics 27.0.1.0 مورد تجزیه و تحلیل و قرار گرفت. جهت پردازش این داده‌ها نیاز به انتخاب معیاری مناسب جهت محاسبه شباهت بین متغیرها می‌باشد. این متغیرها شامل عامل‌های مشاهده‌ناپذیر ترکیبی مؤثر بر سازکار مقاومت بر پایه مجموعه شاخص‌های مشاهده‌پذیر و محاسبه شده برای آن مقاومت آنتی‌زنوزی بود که در تجزیه به عامل‌ها برآورد شدند.

پس از انتخاب معیارهای شباهت، جهت تهیه نمودار درختی (Denderogram) معرف ساختار درونی متغیرها، نیاز به انتخاب روش مناسبی جهت اتصال خوشه‌ها بود. حضور دو یا چند ژنوتیپ/رقم در یک خوشه و نهایتاً در یک گروه خاص، حاکی از شباهت بین آنها در واکنش آنتی‌زنوزی بود. بنابراین با استفاده از این نمودار اقدام به گروه‌بندی ارقام/ژنوتیپ‌های آلو شد. با توجه به تئوری روش آنالیز خوشه‌ای و با در نظر گرفتن معیارهای تعیین بهترین مکان برای خط فنون براساس فاصله اقلیدسی (Euclidean Distance)، این موقعیت انتخاب گردید. مناسب‌ترین فاصله اقلیدسی براساس رابطه $\sqrt{\frac{n}{2}}$ برآورد شد که n معادل تعداد کل ژنوتیپ‌ها/ارقام آلوی مورد مطالعه بود. بر این اساس کل ژنوتیپ‌های مورد مطالعه در گروه‌های اساسی براساس میزان بروز سازکار آنتی‌زنوز قرار گرفتند (Frades and Matthiesen, 2010).

به منظور ارزیابی صحت گروه‌بندی ژنوتیپ‌ها/ارقام مورد مطالعه تجزیه تشخیص خطی (Linear Discriminant Analysis = LDA)، تجزیه متمایز طبیعی (Natural Discriminant Analysis = NDA)، یا تجزیه تابع متمایز، و تعمیم تفکیک‌کننده خطی فیشر استفاده شد. تجزیه تشخیص خطی (LDA) همچنین ارتباط نزدیکی با تجزیه به عامل‌ها دارد، زیرا هر دو به دنبال ترکیب‌های خطی متغیرهایی هستند که مقاومت آنتی‌زنوزی ژنوتیپ‌های مورد مطالعه را به بهترین شکل توضیح دهند. تفاوت بین گروه‌های بررسی و به این ترتیب از صحت گروه‌بندی اطمینان حاصل شد (Fraley and Raftery, 2002).

رابطه بین صفات کمی و کیفیت میوه با بروز سازکارهای آنتی‌زنوز در ژنوتیپ‌ها/ارقام آلو با استفاده از ضرایب همبستگی پیرسون با نرم افزار IBM SPSS Statistics 27.0.1.0 مورد بررسی قرار گرفت (Gogtay and Thatte, 2017).

نتایج و بحث

تجزیه واریانس شاخص‌های نرخ فراوانی نسبی استقرار، عدم رجحان، رجحان و تجمع لارو کرم آلو نشان داد که بین ارقام/ژنوتیپ‌های آلو تفاوت معنی‌دار وجود داشت (جدول تجزیه واریانس ارائه نشده است). مقایسه میانگین‌های شاخص‌های ارزیابی شده برای ۲۷ رقم/ژنوتیپ مورد مطالعه به روش آزمون چند دامنه‌ای دانکن در جدول ۲ ارائه شده است.

جدول ۲- مقایسه میانگین شاخص‌های مقاومت آنتی‌زنوزی ژنوتیپ‌ها/ارقام آلو نسبت به کرم میوه آلو
Table 2. Mean comparison of antixenosis resistance indices of plum genotypes/cultivars to the plum fruit moth

Genotype/cultivar	رقم/ژنوتیپ	Antixenosis index شاخص آنتی‌زنوزی			
		شاخص استقرار نسبی لارو AQR	شاخص عدم رجحان لارو NPI	شاخص رجحان لارو C-L	شاخص تجمع لارو M*
Anjelo	آنجلو	0.06±0.04c	97.97±0.33abc	0.82±0.16c	47.39±1.18cde
Black Amber	بلاک امبر	0.03±0.01cd	98.54±0.16bc	0.77±0.07c	29.54±5.31abc
Black Star	بلاک استار	0.03±0.01cd	97.74±0.41abc	0.72±0.05c	55.45±10.17de
Bokhara	بخارار	0.02±0.00c	98.81±0.25bc	0.66±0.07c	24.60±6.64a
Friar	فریار	0.03±0.01cd	97.81±0.28abc	0.75±0.04c	54.37±7.56de
G-Black	جی-بلاک	0.06±0.01a	97.36±0.44ab	0.91±0.04c	64.64±16.32e
G-100	جی-۱۰۰	0.03±0.01cd	98.14±0.33abc	0.73±0.09c	44.95±6.99cde
G-98	جی-۹۸	0.06±0.02a	97.22±0.08ab	0.95±0.13c	66.42±7.14e
G-99	جی-۹۹	0.05±0.02a	98.30±0.52bc	0.74±0.04c	28.42±2.89abc
Genotype 19	ژنوتیپ ۱۹	0.02±0.00c	98.38±0.24 bc	0.78±0.06c	45.13±0.61cde
Ghalo	گالو	0.03±0.01cd	97.49±0.53abc	0.71±0.06c	29.20±5.79abc
Gholaman	غلامان	0.02±0.00c	98.23±0.35abc	0.63±0.06bc	54.07±10.54de
Ghomi	قمی	0.04±0.00bc	97.96±0.16abc	0.77±0.03c	25.86±4.62ab
G-Malayer	جی-ملایر	0.04±0.01bc	96.91±0.49a	0.85±0.08c	54.27±7.44de
GR- Rezaieh	جیار-رضائیه	0.05±0.03a	97.58±0.80abc	0.73±0.09c	61.87±19.09e
Kermanshah	کرمانشاه	0.03±0.01cd	97.36±0.34ab	0.99±0.11c	44.34±6.01cde
Kh-Mashhad	خ-مشهد	0.06±0.01a	97.33±0.59ab	0.78±0.01c	62.28±4.83e
Laroda	لارودا	0.05±0.01a	97.79±0.22abc	0.71±0.65c	32.44±3.57bcd
Mortini	مورتینی	0.03±0.01cd	98.16±0.15 abc	0.07±0.01ab	49.82±1.76cde
Queen Rosa	کوئین روزا	0.03±0.01cd	97.91±0.47abc	0.07±0.01c	36.29±1.44cde
Santa Rosa	سانتارزا	0.03±0.00cd	98.13±0.30abc	0.05±0.01a	54.16±10.49de
Sonqorabadi	سنقرآبادی	0.03±0.01cd	97.90±0.39abc	0.10±0.02ab	36.44±6.14cde
Sosourmi	سوسورمی	0.06±0.02a	97.17±0.71ab	0.03±0.01a	50.23±7.97cde
Uromieh-20	اورمیه ۲۰	0.02±0.00c	98.41±0.06bc	0.09±0.02c	64.02±17.30e
Zard Kurdistan	زرد کردستان	0.04±0.01bc	97.18±0.31ab	0.07±0.01ab	45.39±4.38cde
Zojelo	زوجلو	0.05±0.01a	97.93±0.22abc	1.03±0.55c	59.47±4.55de

میانگین‌هایی، در هر ستون، که دارای حداقل یک حرف مشترک می باشند بر اساس آزمون چند دامنه ای دانکن در سطح احتمال پنج درصد تفاوت معنی دار ندارند.

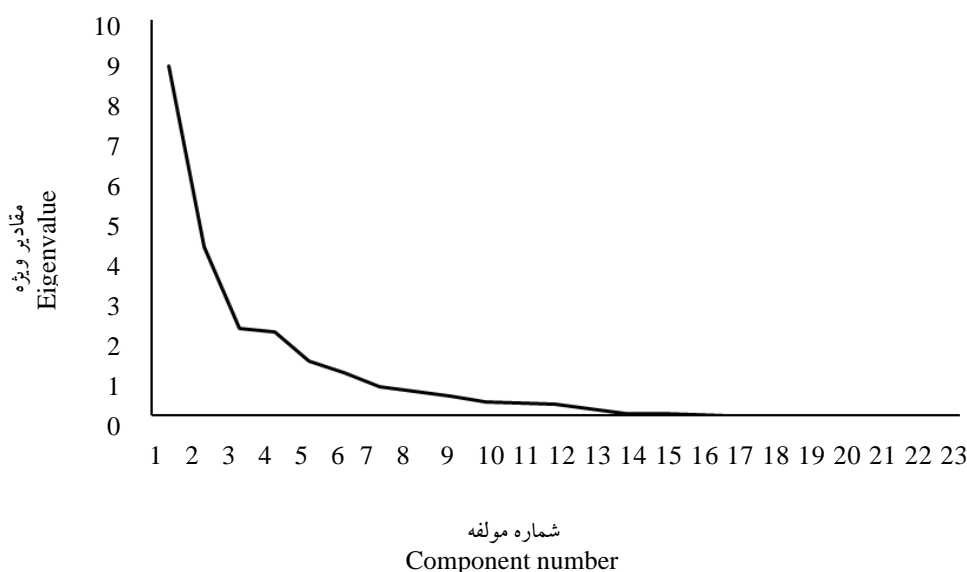
Means, in each column, followed by at least one letter in common are not significantly different at the 5% probability level-using Duncan's Multiple Range Test.

AQR: Larvae establishment rate, NPI: Non-preference index, C-L: Larvae preference, M*: Larvae crowding.

ارقام/ژنوتیپ‌های آلو براساس شاخص‌های مختلف آنتی‌زنوزی تفاوت‌های معنی دار داشتند. میانگین شاخص استقرار نسبی $0.03 \pm$ و 0.38 و حداقل مقدار آن در آلو بخارار، ژنوتیپ ۱۹ و ارومیه ۲۰ معادل 0.02 و حداکثر آن در ارقام آنجلو، فریار، جی ۹۸، خ-مشهد و سوسورمی معادل 0.06 بود (جدول ۲). میانگین شاخص عدم رجحان لارو 97.84 ± 0.04 بود و حداقل آن در ژنوتیپ جی-ملایر معادل 96.91 و حداکثر آن در آلو بخارار معادل 98.81 بود

در این پژوهش، برای بررسی همزمان شاخص‌های مقاومت آنتی‌زنوزی شامل نرخ فراوانی نسبی استقرار، شاخص عدم رجحان، شاخص رجحان لارو و شاخص تجمع لارو و تاثیر آنها بر بروز مقاومت آنتی‌زنوزی در ژنوتیپ‌ها/ارقام آلودی مورد مطالعه استفاده شدند (شکل ۲).

(جدول ۲). میانگین شاخص رجحان لارو 0.59 ± 0.05 و حداقل آن در رقم سوسورمی معادل 0.03 و حداکثر آن در رقم زوجلو معادل 1.03 بود. میانگین شاخص تجمع لارو 1.99 ± 46.96 و حداقل آن در آلو بخارا معادل 24.6 و حداکثر آن در جی - ۹۸ معادل 66.42 بود (جدول ۲).



شکل ۲- نمودار مؤلفه‌های اصلی مقاومت آنتی‌زنوزی ژنوتیپ‌ها/ ارقام آلودی نسبت به کرم میوه آلودی فضای چرخشی

Fig. 2. Plot of main components of antixenosis resistance of plum genotypes/cultivars to the plum fruit moth in rotation space

که واریانس بین عوامل را حداکثر و تفسیر عوامل را ساده‌تر می‌کند، عواملی که درصد بیشتری از تغییرات شاخص‌ها را در بروز مقاومت آنتی‌زنوزی توجیه کردند، مهمتر بوده و باید مورد بررسی قرار گیرند. بنابراین شاخص‌های مؤثر در هر عامل شناسایی و عوامل بر اساس مؤثرترین صفات نام گذاری شدند.

بر اساس رابطه بین شاخص‌ها پنج عامل، دارای ریشه‌های بزرگتر از یک معنی دار، 86.32 درصد از تغییرات داده‌ها را توجیه کردند. سه عامل اول بیشترین تغییرات را نشان دادند و به ترتیب 25.92 ، 16.93 و 12.85 درصد از کل تغییرات را توضیح دادند (جدول ۳). با توجه به دوران عامل‌ها با چرخش واریماکس (جدول ۴)

جدول ۳- تجزیه به عامل‌ها برای تعیین عامل‌های مشاهده‌ناپذیر ترکیبی مؤثر بر مقاومت آنتی‌زنوزی ژنوتیپ‌ها/ارقام آلو نسبت به کرم میوه آلو

Table 3. Factors analysis for determination of effective unobservable combined factors on antixenosis resistance of plum genotypes/cultivars to the plum fruit moth

مؤلفه Component	مقادیر ویژه اولیه Initial eigenvalues			مجموع بارهای مربعی Sums of squared loadings			مجموع چرخش بارهای مربعی Rotation Sums of squared loadings		
	درصد			درصد			درصد		
	واریانس کل Total	درصد واریانس Variance %	واریانس تجمعی Cumulative variance %	واریانس کل Total	درصد واریانس Variance %	واریانس تجمعی Cumulative variance %	واریانس کل Total	درصد واریانس Variance %	واریانس تجمعی Cumulative variance %
1	8.820	38.346	38.346	8.820	38.346	38.346	5.962	25.923	25.923
2	4.261	18.526	56.872	4.261	18.526	56.872	3.893	16.927	42.851
3	2.210	9.607	66.479	2.210	9.607	66.479	2.956	12.854	55.705
4	2.103	9.146	75.625	2.103	9.146	75.625	2.628	11.428	67.132
5	1.367	5.943	81.568	1.367	5.943	81.568	2.252	9.790	76.922
6	1.094	4.757	86.324	1.094	4.757	86.324	2.163	9.402	86.324

جدول ۴- ریشه‌های تجزیه به عامل‌ها پس از چرخش واریماکس برای شناسایی عامل‌های مشاهده‌ناپذیر ترکیبی مؤثر بر مقاومت آنتی‌زنوزی ارقام/ژنوتیپ‌های آلو نسبت به کرم میوه آلو

Table 4. Roots of factor analysis after varimax rotation for identification of effective unobservable combined factors on antixenosis resistance of plum genotypes/cultivars to the plum fruit moth

Index	شاخص	Component		
		1	2	3
M*	تجمع لارو	-0.060	0.809*	-0.439
C-L	رجحان لارو	0.553*	-0.164	-0.027
NPI	عدم رجحان	-0.237	-0.733*	0.569*
AQR	استقرار نسبی لارو	0.386	0.467	-0.205

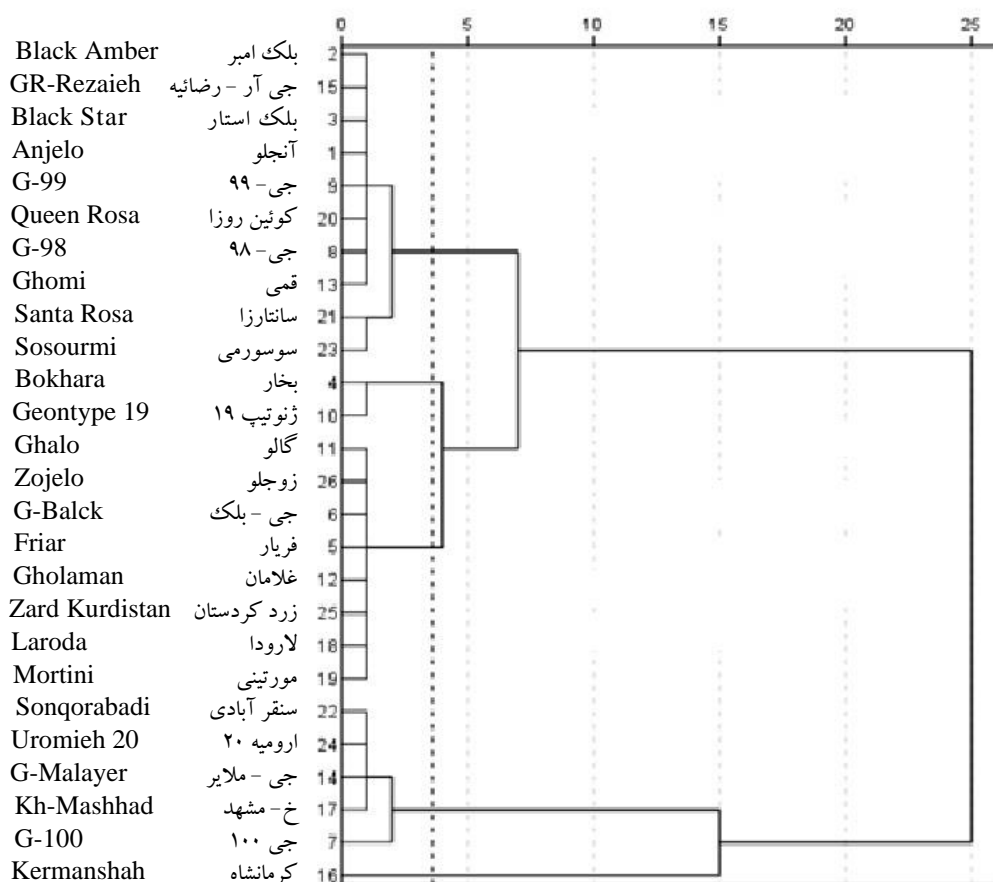
*: Significant at the 5% probability level.

*: معنی دار در سطح احتمال پنج درصد.

M*: Larvae crowding, C-L: Larvae preference, NPI: Non-preference index, AQR: Larvae establishment rate.

شاخص عدم رجحان لارو مقدار مثبت و بزرگ داشت. نمودار دندروگرام گروه‌بندی ژنوتیپ‌ها و ارقام آلو مورد مطالعه براساس عامل‌های مشاهده‌ناپذیر ترکیبی مؤثر بر نوع سازکار مقاومت آنتی‌زنوز که بر پایه مجموعه شاخص‌های مشاهده‌پذیر محاسبه شده در شکل ۳ ارائه شده است.

عامل اول شاخص رجحان لارو در بروز سازکار مقاومت آنتی‌زنوزی ضرایب مثبت و بزرگ داشتند (جدول ۴). بنابراین، این عامل با توجه به بار عاملی بیشتر شاخص‌های شاخص تجمع لارو و شاخص عدم رجحان لارو به ترتیب مقادیر مثبت و منفی بزرگ داشتند. عامل سوم



شکل ۳- دندروگرام گروه بندی ژنوتیپ/ارقام آلو براساس شاخص های مقاومت آنتی زنوزی نسبت به کرم میوه آلو
Fig. 3. Dendrogram of grouping of plum genotypes/cultivars based on antixenosis resistance to the plum fruit moth

بنابراین حساس ترین ژنوتیپ نسبت به کرم آلو بود. میانگین شاخص های نرخ فراوانی نسبی استقرار، شاخص عدم رجحان، شاخص رجحان لارو و شاخص تجمع لارو آن به ترتیب ۰/۰۶۳، ۹۶/۵، ۰/۳۱ و ۹۴/۱۵ بود (جدول ۲).

در گروه دوم، پنج ژنوتیپ آلو بنام های جی - ملایر، خ - مشهد، جی - ۱۰۰، ارومیه ۲۰ و سنقرآبادی قرار داشتند (شکل ۳). این ژنوتیپ ها از نظر رتبه مقاومت آنتی زنوزی نسبت به کرم میوه آلو نیمه حساس بودند. میانگین شاخص های نرخ فراوانی نسبی استقرار، عدم رجحان، رجحان

ارقام و ژنوتیپ های آلو در پنج گروه مجزا قرار گرفتند (شکل ۳). ضریب همبستگی کوفنیتیک بین ماتریس فاصله اقلیدسی و ماتریس خروجی حاصل از دندروگرام به دست آمده از تجزیه خوشه ای برابر با ۰/۹۲ بود که نشان دهنده گروه بندی قابل قبول ارقام با استفاده از شاخص های مقاومت آنتی زنوزی بود. ژنوتیپ ها/ارقام مربوط به هر گروه در جدول ۵ ارائه شده اند.

در گروه ۱، یک ژنوتیپ آلو بنام کرمانشاه قرار داشت (شکل ۳). این ژنوتیپ از نظر رتبه مقاومت آنتی زنوزی به شب پره آلو بالاترین رتبه را داشت،

لارو و تجمع لارو به ترتیب ۰/۳۳، ۹۶/۹۹، ۰/۰۶ و ۶۷/۶۴ بود (جدول ۲).
 در نهایت ۱۰ ژنوتیپ/رقم به کرم آلو در گروه پنج قرار گرفتند. این ژنوتیپ‌ها/ارقام عبارت بودند: از بلک استار، کوئین روزا، جی-۹۹، جی-۹۸، قمی، سانتارزا، سوسورمی، آنجلو، بلک امبر، و جی آر-رضائیه که نسبت به کرم آلی میوه مقاوم تر بودند (شکل ۳). برای این گروه میانگین شاخص‌های نرخ فراوانی نسبی استقرار، شاخص عدم رجحان، شاخص رجحان لارو و شاخص تجمع لارو به ترتیب ۰/۰۳، ۹۷/۸۷، ۰/۳۱ و ۴۷/۷۷ بود (جدول ۲). برخی اطلاعات مربوط به گروه‌های بدست آمده در جدول ۵ ارائه شده است.

جدول ۵- گروه بندی ژنوتیپ‌ها/ارقام آلو براساس شاخص های مقاومت آنتی‌زنوزی نسبت به کرم میوه آلو
 Table 5. Grouping of plum genotypes/cultivars based on antixenosis resistance indices to the plum fruit moth

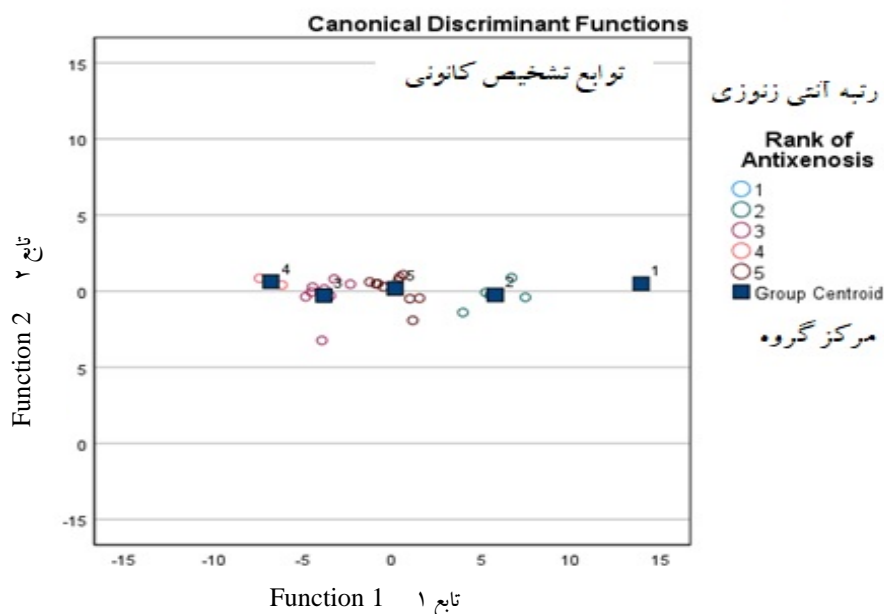
گروه Group	Genotype/cultivar	Index ژنوتیپ/رقم	میانگین Mean شاخص	انحراف استاندارد Standard deviation	تعداد معتبر در فهرست Valid no. in the list	
					بدون وزن Unweighted	وزنی Weighted
1	Kermanshah	AQR	0.06	NA	1.00	1.00
		NPI	96.50	NA	1.00	1.00
		C- L	0.31	NA	1.00	1.00
		M*	94.15	NA	1.00	1.00
2	G-100	AQR	0.06	0.02	5.00	5.00
	Kh-Mashhad	NPI	96.99	0.36	5.00	5.00
	G-Malayer	C- L	0.33	0.02	5.00	5.00
	Uromieh20	M*	67.64	4.61	5.00	5.00
	Sonqorabadi	M*	67.64	4.61	5.00	5.00
3	Mortini	AQR	0.03	0.01	8.00	8.00
	Laroda	AQR	0.03	0.01	8.00	8.00
	Zard Kurdistan	NPI	98.25	0.23	8.00	8.00
	Gholaman	NPI	98.25	0.23	8.00	8.00
	Friar	C- L	0.49	0.46	8.00	8.00
	G-Black	C- L	0.49	0.46	8.00	8.00
4	Zojelo	M*	34.19	3.38	8.00	8.00
	Ghalo	M*	34.19	3.38	8.00	8.00
	Bokara	AQR	0.03	0.00	2.00	2.00
	Genotype 19	NPI	98.78	0.21	2.00	2.00
	Genotype 19	C- L	0.26	0.05	2.00	2.00
5	Sosourmi	M*	22.07	3.75	2.00	2.00
	Santa Rosa	AQR	0.03	0.03	10.00	10.00
	Ghomi	AQR	0.03	0.03	10.00	10.00
	G-98	NPI	97.87	0.53	10.00	10.00
	G-99	NPI	97.87	0.53	10.00	10.00
	Queen Rosa	C- L	0.32	0.07	10.00	10.00
	Black Star	C- L	0.32	0.07	10.00	10.00
	Angelo	C- L	0.32	0.07	10.00	10.00
	GR-Rezaieh	M*	47.77	4.32	10.00	10.00
	Balck Amber	M*	47.77	4.32	10.00	10.00

NA: Not available.

NA: در دسترس نبود.

AQR: Larvae establishment rate, NPI: Non-preference, C-L: Larvae preference, M*: Larvae crowding index

مقایسه دندروگرام حاصل از تجزیه خوشه‌ای
با استفاده از تجزیه تابع تشخیص خطی فشر
حاکی از آن بود که معیار وارد توانست
ژنوتیپ‌ها/ارقام آلو را با دقت ۹۷/۲ درصد
گروه‌بندی کند و تفاوت بین آنها را نشان دهد
(شکل ۴).



شکل ۴- دقت گروه بندی ژنوتیپ‌ها/ارقام آلو بر اساس شاخص‌های مقاومت آنتی‌زنوزی با استفاده از روش توابع تشخیص کانونی

Fig. 4. Accuracy of plum genotypes/cultivars grouping based on antixenosis resistance indices using canonic discriminant functions method

سازکار مقاومت آنتی‌زنوزی به کرم میوه آلو در ژنوتیپ‌ها/ارقام آلو مطالعه شد. میزان تأثیر خصوصیات مختلف میوه بر مقاومت به کرم میوه آلو با بررسی ضرایب همبستگی بین صفات انجام شد (جدول ۷). در میان خصوصیات میوه، نرخ استقرار نسبی با سفتی بافت میوه، شاخص عدم رجحان نیز با سفتی بافت میوه، شاخص رجحان لارو با قطر مهندسی میوه و مساحت سطح میوه و شاخص تجمع لارو با صفات مقدار مواد جامد، سفتی بافت، زمان برداشت و نسبت وزن خشک

مقادیر ویژه و درصد واریانس برای توابع تشخیص مختلف در جدول ۶ ارائه شده است. تابع اول ۹۶/۱ درصد از واریانس را در بر داشت. مقدار لامبدای ویلکس هرچقدر به طرف صفر میل کند نشان دهنده مناسب‌تر بودن تابع در تفکیک گروه‌ها است. تابع اول دارای پایین‌ترین لامبدای ویلکس (۰/۰۲۸) بود و نسبت به سایر توابع‌ها مناسب‌تر بود (جدول ۶).

ارتباط بین خصوصیات کمی و کیفیت میوه با

به تر میوه همبستگی معنی دار داشتند (جدول ۷).
بنابراین، می توان چنین نتیجه گیری کرد که این
ژنوتیپ ها/ارقام آلو مؤثر بودند.

جدول ۶ - دقت گروه بندی و تعداد انتساب ژنوتیپ ها/ارقام آلو به گروه های حاصل از تجزیه خوشه ای
بر اساس شاخص های مقاومت آنتی‌زنوزی نسبت به کرم میوه آلو با استفاده از تجزیه تابع تشخیص

Table 6. Accuracy of grouping and assigned number of plum genotypes/cultivars to different groups resulted from cluster analysis based on antixenosis resistance indices to the plum fruit moth using canonic discriminaant function analysis

	گروه	Group					کل
		Group 1	2	3	4	5	Total
تعداد انتساب Assigned number	1	1	0	0	0	0	1
	2	0	5	0	0	0	5
	3	0	0	8	0	0	8
	4	0	0	0	2	0	2
	5	0	0	0	0	10	10
درصد انتساب Assigned percentage	1	100	0	0	0	0	100
	2	0	100	0	0	0	100
	3	0	0	100	0	0	100
	4	0	0	0	100	0	100
	5	0	0	0	0	100	100

استقرار روی گیاه و افزایش احتمال بقای خود،
ویژگی های تغذیه ای و شیمیایی گیاه را شناسایی
می کند (Myers *et al.*, 2006).

گام اول مطالعه مقاومت آنتی زنوزی است.
برای کرم میوه آلو، مزایای مناسب بودن میوه
میزبان از اهمیت زیادی برخوردار است. نتایج
پژوهش حاضر به وضوح نشان داد که شاخص
رجحان لارو در بروز سازکار مقاومت آنتی‌زنوزی
بیشترین تأثیر را داشت. پس از آن شاخص های
تجمع لارو و عدم رجحان به ترتیب بیشترین تأثیر
مثبت و منفی را داشتند. این یافته ها با نتایج سایر
پژوهشگران در این خصوص موافقت دارد
(Walter, 2003; Schoonhoven *et al.*, 1998).

مقاومت ارقام آلو نسبت به کرم آلو یک
راهبرد پایه برای مدیریت و کنترل موفق این
آفت است. در پژوهش حاضر، تفاوت هایی
در مقاومت آنتی‌زنوزی بین ارقام/ژنوتیپ های
آلو نسبت به آلودگی طبیعی به کرم میوه
آلو (*Grapholita funebrana* Treitschke)
مشاهده شد. این تفاوت ها به دلیل رجحان آفت
(کرم آلو) یا میزبان بر اساس شاخص های
آنتی‌زنوزی شامل نرخ فراوانی نسبی استقرار،
شاخص عدم رجحان، شاخص رجحان
لارو و شاخص تجمع لارو رخ داد. سایر
پژوهشگران نیز نشان داده اند که رجحان
دقیقاً در لحظه ای آغاز می شود که حشره برای

جدول ۷- ضرایب همبستگی صفات کمی و کیفیت میوه ژنوتیپ ها/ارقام آلو با شاخص های مقاومت آنتی زنوزی نسبت به کرم میوه آلو

Table 7. Correlation coefficients of fruit quantitative and quality characteristics of plum genotypes/cultivars with antixenosis resistance incidence to the plum fruit moth.

Index	شاخص	Fruit characteristic خصوصیت میوه																
		نسبت											وزن میوه		شاخص		مساحت سطح میوه Fruit surface area	
		طول: عرض میوه		قطر میوه		وزن میوه		مواد		زمان برداشت		ضخامت هسته		سفتی بافت				
		Fruit length: width ratio	Fruit diameter	Fruit weight	TSS	Total acid	firmness	Texture	Stone	Harvest	اسیدیته	Dry fruit weight	Fruit shape index	Engeering diameter	Sphericity index			
length	width	diameter	width ratio	weight	TSS	Total acid	firmness	thickness	time	pH	weight	index	diameter	index	surface area			
AQR	استقرار نسبی لارو	0.330	0.397*	0.360	-0.120	0.110	-0.110	-0.180	0.446*	-0.110	0.300	0.080	0.170	0.370	0.370	0.360	0.350	
NPI	عدم رجحان لارو	-0.160	-0.250	-0.260	0.220	-0.180	0.399*	-0.170	-0.441*	-0.040	0.180	0.120	-0.150	-0.230	-0.260	-0.240	-0.320	
C- L	رجحان لارو	0.484*	0.370	0.290	0.110	0.419*	0.090	-0.200	-0.110	-0.350	0.290	-0.180	0.240	0.393*	0.441*	0.160	0.521**	
M*	تجمع لارو	-0.120	-0.010	0.030	-0.240	-0.040	-0.495*	0.360	0.456*	0.230	-0.420*	-0.200	-0.090	-0.030	-0.020	0.070	0.030	

*and **: Significant at the 5% and 1% probability levels, respectively.

*و **: به ترتیب معنی دار در سطح احتمال پنج درصد و یک درصد.

AQR: Larvae establishment rate, NPI: Non-preference, C-L: Larvae preference, M*: Larvae crowding index

بسیاری از لاروهای بالپولکدارن آفت توانایی جبران کیفیت کم میزبان را دارند و آن را با افزایش مصرف از میزبان و کاهش رشد انجام می‌دهند (Awmack and Leather, 2002; Bauerfeind and Velten, 2007). بنابراین در بررسی مقاومت گیاهی، به عنوان بخشی از برنامه مدیریت تلفیقی آفات، مطالعه عدم رجحان از اهمیت زیادی برخوردار است. زیرا عدم رجحان می‌تواند پیامدهای اکولوژیکی منفی برای آفت مورد نظر داشته باشد. از جمله این آثار نامطلوب می‌توان به افزایش دامنه زمانی حساسیت به شکارگرها، پارازیتوئیدها یا عوامل بیمارگر (K'uhrt et al., 2005; Bonebrake et al., 2010; Gripenberg et al., 2010) و یا کاهش فرصت‌های جفت‌گیری و تخم‌گذاری در مراحل بعدی بر روی آن میزبان اشاره کرد. شفیره‌ها نیز ممکن است در یافتن مکان‌های مناسب برای شفیره شدن دچار مشکلات بیشتری در میزبان‌های دارای واکنش آنتی‌زنوزی شوند (Heisswolf et al., 2005). بنابراین، برای کرم میوه آلو، مزایای تناسب رشد بر روی میوه میزبان از اهمیت زیادی برخوردار است. هر چند بررسی این آثار در اکولوژی و زیست‌شناسی کرم آلو نیاز به مطالعات تکمیلی دارد.

نتایج پژوهش حاضر به وضوح نشان داد که شاخص فعالیت و رشد لارو کرم آلو در ژنوتیپ‌های مورد مطالعه بسیار متفاوت بود. به طوری که مقدار لارو-روز مؤثر به عنوان شاخص تناسب رشد لارو از ۷۴۴/۱۷ در ژنوتیپ

کرمانشاه تا ۲۲۵/۸۳ در ژنوتیپ ۱۹ متغیر بود. میانگین این شاخص در ۲۶ ژرم پلاسم آلوئی مورد مطالعه $26/04 \pm 458/63$ بود. این نتایج با مطالعات مشابه اکولوژیکی مقاومت ارقام گیاهی اثبات شده است (Walter, 2003; Schoonhoven et al., 2008).

در این پژوهش مشخص شد که شاخص‌های آنتی‌زنوزی ارقام با طول، عرض، قطر، قطر مهندسی، شاخص گرد بودن و مساحت سطح میوه دارای بیشترین رابطه معنی‌داری بودند. مطالعات انجام شده پیرامون سایر شب‌پره‌های میوه‌خوار نظیر *Grapholia molesta* (Busck) نشان داده است که خصوصیات گیاه میزبان بر بقاء، فنولوژی و میزان تخم‌گذاری آفت و در نتیجه ترجیح میزبانی آن مؤثر بوده است (Myers et al 2002). ویژگی‌های فیزیکی و شیمیایی میوه بویژه متابولیت‌های اولیه و ثانویه، ممکن است زمینه ساز تفاوت‌های مشاهده‌شده در عملکرد پروانه میوه شرقی بر روی گیاهان میزبان باشد (Awmack and Leather, 2002; Bossart, 2003; Velten et al., 2008).

در مطالعه مشابهی مشخص شد چندین صفت میوه آلو مثل: شکل، حجم، سختی، رنگ، میوه و خواص فیزیکوشیمیایی در حساسیت چهار رقم مختلف آلو آنجلو، فریار، پرزیدنت و استانی بر مقاومت *G. funebrana* تأثیر داشتند (Rizzo et al., 2019). برخی از صفات میوه مثل: طول، میزان قند، اسیدیته قابل تیتراسیون، رنگ، بر حساسیت به آلودگی *G. funebrana*

مؤثر بودند. در شرایط آزمایشگاهی، رنگ و شکل نقش مهمی در تعیین زمان صرف شده برای میزبانی یابی آفت داشتند. به عنوان مثال: پروانه های ماده میوه های زرد و گرد را به میوه های دراز قرمز یا سبز رجحان دادند. ارقام آنجلو (میوه های زرد و گرد) و استنلی (میوه های سبز و کشیده) به ترتیب بیشترین و کمترین حساسیت نسب به کرم میوه آلو را داشتند (Rizzo et al., 2019).

نتایج پژوهش حاضر نشان داد که برخی از خصوصیات میوه دارای اثر مثبت و برخی نیز تأثیرات منفی بر مناسب بودن ژنوتیپ ها/ارقام آلوی مورد مطالعه به عنوان میزبان رجحانی لارو کرم آلو داشت. در مطالعات مشابه ای نشان داده شده است که خصوصیات فنوتیپی ارقام گیاهی، خصوصیات زیستی لارو از جمله زمان رشد لارو ماده، میزان باروری، طول عمر لارو نر و میزان بقای شفیره را تحت تأثیر قرار دادند (Awmack and Leather, 2002).

براساس شاخص های مقاومت آنتی زنوزی نسبت به لارو کرم آلو ارقام/ژنوتیپ های بلک استار، کوئین روزا، جی - ۹۹، جی - ۹۸، قمی، سانتارزا، سوسورمی، آنجلو، بلک امبر و جی آر - رضائیه مقاوم تر، و ژنوتیپ کرمانشاه حساس ترین بودند. مقاومت آنتی زنور ناشی از مانع فیزیکی گیاه است که تعامل بین گیاه میزبان و حشرات را کاهش می دهد. مطالعات مشابه نیز نشان داده که آنتی زنوز یا عدم رجحان در واقع نوعی مقاومت مورفولوژیکی است که در آن

حشره یا توسط گیاه میزبان دفع می شود یا جذب آن نمی شود. در هر صورت آسیب به گیاه به دلیل عدم تغذیه یا عدم تخم گذاری کاهش می یابد (Ok et al. 2012; Smith and Clement, 2012). مطالعات تکمیلی بر روی متابولیت های اولیه و ثانویه در ژنوتیپ های آلوی موجود در کلکسیون ارقام ایستگاه تحقیقاتی کمالشهر ضروری است.

هر برنامه به نژادی برای تولید ارقام مقاوم شامل مراحل است. این پژوهش در واقع گام اول در یک برنامه به نژادی آلو برای دستیابی به منابع مقاومت به کرم آلو بود. گام دوم در برنامه به نژادی تلاش برای استفاده از این منابع مقاومت مقاومت برای تولید ارقام تجاری با مقاومت به کرم میوه آلو است. گام سوم استفاده مطلوب از ارقام با سطوح مختلف مقاومت و سازکارهای متفاوت در برنامه های مدیریت تلفیقی آفات است. استفاده از گونه های گیاهی مقاوم به آفات از نظر اقتصادی، اکولوژیکی و زیست محیطی سودمند است. البته همواره استفاده از رقم با مقاومت به آفات راهبردی بهینه انتخابی نیست، بجز در شرایط خاص نظیر تولید آلوی ارگانیک که در آن استفاده از کنترل شیمیایی مجاز نیست. استفاده از ارقام مقاوم سرعت پیدایش بیوتیپ های مقاومت شکن از یک سو و مقاومت آفت به آفت کش ها از سوی دیگر را نیز تحت تأثیر قرار می دهد. انجام مطالعات دقیق به منظور دستیابی به اطلاعات لازم در کاربرد منطقی ارقام مقاوم در پژوهش های آینده ضروری است. نتایج پژوهش

حاضر به عنوان بخشی از اطلاعات تکمیلی
برای انتخاب ارقام آلو مقاوم مناسب
برای توسعه کشت این محصول در کشور مفید
است.

و کارکنان ایستگاه تحقیقات باغبانی کمالشهر
برای مساعدت در اجرای این پژوهش سپاسگزاری
می‌کنند. همچنین از کارکنان، کارشناسان
آزمایشگاه و اعضای هیأت علمی پژوهشکده
میوه‌های معتدله و سردسیری بویژه جناب آقای
دکتر حمید عبدالحی که در اجرای این پژوهش و
تدوین این نوشتار مساعدت و همفکری کردند،
تشکر می‌نمایند.

سپاسگزاری

نگارندگان بدین وسیله از پشتیبانی و مساعدت
مدیریت پژوهشکده میوه‌های معتدله و سردسیری

References

- Antônio, A. D. C., Silva, D. J. H. D., Picanço, M. C., Santos, N. T., and Fernandes, M. E. D. S. 2011. Tomato plant inheritance of antixenosis resistance to tomato leafminer. *Pesquisa Agropecuária Brasileira* 4: 74-80.
- Awmack, C. S., and Leather, S. R. 2002. Host plant quality and fecundity in herbivorous insects. *Annual Review of Entomology* 47: 817-844.
- Batinica, J., and Muratovic, S. 1972. The importance of *Grapholitha funebrana* for the plum variety Bilska Rana. *Zastita Bilja* 23: 11-24.
- Bauerfeind, S. S., and Fischer, K. 2005. Effects of food stress and density in different life stages on reproduction in a butterfly. *Oikos* 111: 514-524. <https://doi.org/10.1111/j.0030-1299.2005.13888.x>
- Bauerfeind, S. S., and Fischer, K. 2008. Maternal body size as a morphological constraint on egg size and fecundity in butterflies. *Basic and Applied Ecology* 9: 443-451.
- Berrigan, D., and Charnov, E. L. 1994. Reaction norms for age and size at maturity in response to temperature: a puzzle for life historians. *Oikos* 70: 474-478.
- Bonebrake, T. C., Boggs, C. L., McNally, J. M., Ranganathan, J., and Ehrlich, P. R., 2010. Oviposition behavior and offspring performance in herbivorous insects: consequences of climatic and habitat heterogeneity. *Oikos* 119: 927-934.
- Bossart, J. 2003. Covariance of preference and performance on normal and novel hosts in a locally monophagous and locally polyphagous butterfly population. *Oecologia* 135: 477-486.
- Boyd, I. L., Freer-Smith, P. H., Gilligan, C. A., and Godfray, H. C. J. 2013. The

- consequence of tree pests and diseases for ecosystem services. *Science* 342 (6160): 1235773. DOI: 10.1126/science.1235773.
- Cahenzli, F., Wenk, B. A., and Erhardt, A. 2015.** Female butterflies adapt and allocate their progeny to the host-plant quality of their own larval experience. *Ecology* 96: 1966-1973. DOI:10.1890/14-1275.1.
- Frades, I., and Matthiesen, R. 2010.** Overview on techniques in cluster analysis. *Bioinformatics Methods in Clinical Research*: 81-107.
- Fraley, C., and Raftery, A. E. 2002.** Model-based clustering, discriminant analysis, and density estimation. *Journal of the American Statistical Association* 97 (458): 611-631.
- Gish, M., Ben-Ari, M., and Inbar, M. 2017.** Direct consumptive interactions between mammalian herbivores and plant-dwelling invertebrates: prevalence, significance, and prospectus. *Oecologia* 183: 347-352.
- Głowacka, A., and Rozpara, E. 2014.** Growth, yielding and fruit quality of four plum (*Prunus domestica* L.) cultivars under organic orchard conditions. *Journal of Research and Applications in Agricultural Engineering* 59 (3): 56-60.
- Gogorcena, Y., Sánchez, G., Moreno-Vázquez, S., Pérez, S., and Ksouri, N. 2020.** Genomic-based breeding for climate-smart peach varieties. pp. 271-331. In: Kole, C. (ed.) *Genomic Designing of Climate-Smart Fruit Crops*. DOI:10.1007/978-3-319-97946-5_8.
- Gogtay, N. J., and Thatte, U. M. 2017.** Principles of correlation analysis. *Journal of the Association of Physicians of India* 65: 78-81.
- Gripenberg, S., Mayhew, P.J., Parnell, M. and Roslin, T. 2010.** A metaanalysis of preference–performance relationships in phytophagous insects. *Ecology Letters* 13: 383-393.
- Hamzehzarghani, H., Kushalappa, A. C., Dion, Y., Rioux, S., Comeau, A., Yaylayan, V., Marshall, W. D., and Mather, D. E. 2005.** Metabolic profiling and factor analysis to discriminate quantitative resistance in wheat cultivars against fusarium head blight. *Physiological and Molecular Plant Pathology* 66: 119-133.
- He, Q., Zhou, G., and Liu, J. 2022.** Progress in studies of climatic suitability of crop quality and resistance mechanisms in the context of climate warming. *Agronomy* 12: 3183. DOI:10.3390/agronomy12123183.
- Heisswolf, A., Obermaier, E. and Poethke, H. J. 2005.** Selection of large host plants

- for oviposition by a monophagous leaf beetle: nutritional quality or enemy-free space? *Ecological Entomology* 30: 299-306.
- Johnson, W. C. 2000.** Methods and results of screening for diseases- and insect-resistant apple rootstocks. *The Compact Fruit Tree* 33:108-111.
- Krisnawati, A., Bayu, M. S. Y. I., and Adie, M. M. 2017.** Identification of soybean genotypes based on antixenosis and antibiosis to the armyworm (*Spodoptera litura*). *Nusantara Bioscience* 9: 164-169.
- Kührt, U., Samietz, J., and Dorn, S. 2005.** Thermoregulation behavior in codling moth larvae. *Physiological Entomology* 30: 54-61
- Kumari, P., Jasrotia, P., Kumar, D., Kashyap, P. L., Kumar, S., Mishra, C. N., Kumar, S., and Singh, G. P. 2022.** Biotechnological approaches for host plant resistance to insect pests. *Frontiers in Genetics* 13: 914029. DOI: 10.3389/fgene.2022.914029.
- Machlitt, D. 1998.** Persea mite on avocados: quick field counting method. *Subtropical Fruit* 6: 1-4.
- Mirdashtvan, M., Najafinejad, A., Malekian, A., and Sa'doddin, A. 2020.** Regional analysis of trend and nonstationarity of hydroclimatic time series in the southern Alborz region, Iran. *International Journal of Climatology* 40: 1979-1991.
- Mitrea, I., and Bancă, G. 2011.** Behavior of some plum varieties to the attack of the plum moth *Grapholitha funebrana*. *Lucrări Științifice-Universitatea de Științe Agronomice și Medicină Veterinară București. Seria B, Horticultură* 55: 410-413.
- Myers, C. T., Hull, L. A., and Krawczyk, G. 2006.** Seasonal and cultivar associated variation in oviposition preference of oriental fruit moth (Lepitoptera: Tortricidae) adults and feeding behavior of neonate larvae in apples. *Journal of Economic Entomology* 99: 349-358.
- Myers, C. T., and Holl, L. A. 2002.** Host plant effects on survival, phenology and ovipositional preference of Oriental fruit moth *Grapholita molesta* (Busck). *Journal of Economic Entomology* 99: 1176-1183.
- Oki, N., Komatsu, K., Sayama, T., Ishimoto, M., Takahashi, M., and Takahashi M. 2012.** Genetic analysis of antixenosis resistance to the common cutworm (*Spodoptera litura* Fabricius) and its relationship with pubescence characteristics in soybean (*Glycine max* (L.) Merr.). *Breeding Science* 61: 608-617.
- Reiczigel, J., Lang, Z., Rózsa, L., and Tóthmérész, B. 2005.** Properties of crowding

- indices and statistical tools to analyze parasite crowding data. *Journal of Parasitology* 91: 245-252.
- Rizzo, R., Farina, V., Saiano, F., Lombardo, A., Ragusa, E., and Lo Verde, G. 2019.** Do *Grapholita funebrana* infestation rely on specific plum fruit features? *Insects* 10 (12): 444. DOI: 10.3390/insects10120444
- Rothschild, G. H. L., and Vickers, R. A. 1991.** Biology, ecology and control of the oriental fruit moth. pp. 389–412. In: van der Geest, L. P. S., and Evenhuis, H. H. (eds.) *Tortricid Pests: Their Biology, Natural Enemies, and Control*.
- Sabzi, S., Nadimi, M., Abbaspour-Gilandeh, Y., and Paliwal, J. 2022.** Non-destructive estimation of physicochemical properties and detection of ripeness level of apples using machine vision. *International Journal of Fruit Science* 22: 628-645.
- Schweiger, O., Heikkinen, R. K., Harpke, A., Hickler, T., Klotz, S., Kudrna, O., Kühn, I., Pöyry, J., and Settele, J. 2012.** Increasing range mismatching of interacting species under global change is related to their ecological characteristics. *Global Ecology and Biogeography* 21: 88-99.
- Schlick-Souza, E. C., Baldin, E. L. L., and Lourenção, A. L. 2011.** Variation in the host preferences and responses of *Ascia monuste orseis* Godart (Lepidoptera: Pieridae) to cultivars of collard greens *Brassica oleracea* (L.) var. *acephala*. *Journal of Pest Science* 84: 429-436.
- Schoonhoven, L. M., Jermy, T., and van Loon, J. J. A. 1998.** *Insect-Plant Biology: From Physiology to Evolution*. First edition. Chapman & Hall, U. K. 409 pp.
- Smith, C. M., and Clement, S. L. 2012.** Molecular bases of plant resistance to arthropods. *Annual Review of Entomology* 57: 309-328.
- Tek, M. I., and Budak, K. 2022.** A new approach to develop resistant cultivars against the plant pathogens: CRISPR drives. *Frontiers in Plant Science* 13: 889497. DOI:10.3389/fpls.2022.889497.
- Timm, A. E., Warnich, L., and GeerTseMa, H. 2008.** Morphological and molecular identification of economically important Tortricidae (Lepidoptera) on deciduous fruit tree crops in South Africa. *African Entomology* 16: 209-219.
- Tu, X. B., Fan, Y. L., McNeill, M., and Zhang, Z. H. 2018.** Including predator presence in a refined model for assessing resistance of alfalfa cultivar to aphids. *Journal of Integrative Agriculture* 17: 397-405.
- Velten, G., Rott, A. S., Cardona, C., and Dorn, S. 2007.** The inhibitory effect of the

- natural seed storage protein Arcelin on the development of *Acanthoscelides obtectus*. *Journal of Stored Products Research* 43: 550-557.
- Velten, G., Rott, A. S., Petit, B. J. C., Cardona, C., and Dorn, S. 2008.** Improved bruchid management through favorable host plant traits and natural enemies. *Biological Control* 47: 133-140.
- Walter, G. H. 2003.** *Insect Pest Management and Ecological Research*. Cambridge University Press. U. K. 387 pp.
- Wetzel, W. C., Kharouba, H. M., Robinson, M., Holyoak, M., and Karban, R. 2016.** Variability in plant nutrients reduces insect herbivore performance. *Nature* 539: 425-427.
- Willson, M. F., and Whelan, C. J. 1990.** The evolution of fruit color in fleshy-fruited plants. *The American Naturalist* 136: 790-809.
- Xu, H., and Turlings, T. C. 2018.** Plant volatiles as mate-finding cues for insects. *Trends in Plant Science* 23: 100-111.
- Zhivondov, A., and Milusheva, S. 2015.** Characteristics of the new Bulgarian plum cultivar 'Ostromila'. *ISHS Acta Horticulturae* 1139: III Balkan Symposium on Fruit Growing: 63-66. DOI: 10.17660/ActaHortic.2016.1139.11.

Antixenosis Resistance of Plum Genotypes and Cultivars to the Plum Fruit Moth *Grapholitha funebrana* (Treitschke) under the Environmental Conditions of Karaj in Iran

M. Latifian^{1*}, M. Pirkhezri² and R. Ghaemi³

1. Professor, Temperate Fruits Research Center, Horticultural Sciences Research Institute, Agricultural Research, Education and Extension Organization, Karaj, Iran.
2. Assistant Professor, Temperate Fruits Research Center, Horticultural Sciences Research Institute, Agricultural Research, Education and Extension Organization, Karaj, Iran.
3. Researcher, Temperate Fruits Research Center, Horticultural Sciences Research Institute, Agricultural Research, Education and Extension Organization, Karaj, Iran.

ABSTRACT

Latifian, M., Pirkhezri, M., and Ghaemi, R. 2022. Antixenosis resistance of plum genotypes and cultivars to the plum fruit moth *Grapholitha funebrana* (Treitschke) under the environmental conditions of Karaj in Iran. **Seed and Plant Journal** 38: 409-432 (in Persian).

Plum fruit moth *Grapholitha funebrana* (Treitschke) is one of the important pests of plums. The aim of this study was to assess the antixenosis resistance of plum genotypes/cultivars and the effect of fruit physico-chemical characteristic on it. Twenty seven plum genotypes/cultivars in fruits tree genetic resources collection in Kemalshahr in Karaj, Iran, were considered and evaluated from 2019 to 2021 seasons. Antixenosis resistance indices were estimated by sampling larvae population during the seasons. The plum genotypes/cultivars were grouped using cluster analysis, and the relationship between different fruit characteristics and antixenosis resistance was investigated using Pearson correlation. The antixenosis resistance indices had significant relationship with fruit length, width, diameter, engineering diameter, spherical index and fruit surface area. The minimum antixenosis index of larvae establishment ratio in Bukhara, Genotype 19 and Uromieh 20 was 0.02, and its maximum was 0.06 in Anjelo, Friar, G-98, Kh-Mashhad and Sosourmi. The minimum larval non-preference index was 91.96 in G-Melayar and its maximum was 98.81 in Bukhara. The minimum larvae preference was 0.03 in Sosourmi, and its maximum was 1.03 in Zojlo. The minimum larvae crowding index was 24.6 in Bukhara, and its maximum was 66.42 in G-98. Finally, Black Star, Queen Rosa, G99, G98, Qomi, Santa Rosa, Sosurmi, Anjelo, Black Amber, and GR-Rezaieh genotypes/cultivars were more resistant, and Kermanshah genotype was the most sensitive to plum fruit moth. The results of this research are part of the supplementary information for selection of suitable plum cultivars for development of plum orchards in Karaj and other similar environmental conditions.

Keywords: Plum, larvae establishment rate, larvae crowding, larvae preference, larvae non-preference.

*Corresponding author: masoud_latifian@yahoo.com

Tel.: +982636702541

Received: 27 October 2022

Accepted: 28 December 2022